TABLE 2

	name date-start					Hamisha Sep. 96	Brian 4/7/97	Melissa Nov. 96	Melissa Nov. 96	Sharon Nov. 96		optimized		Hamisha Sep. 96		TOSS	Melissa Nov. 96		
	Tocus	GATA145E01	D4S432	D4S2925	D4S3023	D4S431	D4S2366	D4S2935	D4S3007	D4S394	D4S2923	D4S2983	D4S3009	D4S1582	D4S2928	D4S1605	D4S1599	D4S2906	
LE 2	Reverse primer ml	AGACGGAAACCAAATGGA (SEQ ID NO:100)	ctgaaccgcagatccc (SEQ ID NO:102)	tttgatgagttattcggagg (SEQ ID NO:104)	tgaacagcagcggtct (SEQ ID NO:106)	ttcccatcagcgtcttc (SEQ ID NO:66)		ccctgggtgaagtttaatctc (SEQ ID NO:68)	cttcaggttctactagttcatgg (SEQ ID NO:78)	gagtgagccctgtactcca (SEQ ID NO:72)	aggttcctgaatgttcg (SEQ ID NO:108)	ggtcgcattcattcgc (SEQ ID NO:110)	aatcetttgaagaeggeee (SEQ ID NO:112)	ttggttgaaacttgtggatataaa (SEQ ID NO:74)	ctcaggctatttatggggtg (SEQ ID NO:114)	cagttgcttgatacctatattttc (SEQ ID NO:76)	caaggttgtcctgtgtctgc (SEQ ID NO:116)	aattagagatgcccgtgaaa (SEO ID NO:118)	/
TABLE 2	forward primer lp1	CTCAAGAGAAATAGAACCAAT (SEQ ID NO:99)	actctgaaggctgagatggg (SEQ ID NO:101)	tcagaaaccctacaggaaa (SEQ ID NO:103)	acctcactggaaactaaatgg (SEQ ID NO:105)	aggcatactaggccgtatt (SEQ ID NO:65)		getcacagaagtgcccaata (SEQ ID NO:67)	atttttgctacattggtgacata (SEQ ID NO:69)	cccttgagcatcctgacttc (SEQ ID NO:71)	gggcatcatgtctgcaa (SEQ ID NO:107)	tgtccagttggcaggg (SEQ ID NO:109)	atggcctgtgaatcaaccc (SEQ ID NO:111)	atcagggttctccacacaaa (SEQ ID NO:73)	atagacgtgttcctggtgg (SEQ ID NO:113)	cattctagtagttattggcttatcc (SEQ ID NO:75)	ccttaaaagtatccagtaaagcaca (SEQ ID NO:115)	cagtctagattcaaaggaattagac (SEQ ID NO:117)	
	allele		7	E.	7	10		9	3	8	4	13	6	9	7	4	7	9	
	male		0	0	6.2	1.9		1.6	0	0	0	3.3	0	0	0	0	1.1	0	,
	female		2.7	0	2.2	0		1.6	2.2	3.7	0	8.3	0	0	0	0	1.1	0	
UE 2 3 200Z	combined		1.3	0	4.1	1.4		0.1	2.2	1.6	0	5.8	0.1	0	0	0	1.1	0	,

RECEIVED

DEC 2 7 2002 TECH CENTER 1600/2900

1.2	1.1	1.1	9	ccttacggataggggaag (SEQ ID NO:77)	ctaatgtccaggtctacggc (SEQ ID NO:78)	D4S2949	Hamisha	Sep. 96
0.4	1.1	0	9	agattctggcctccttgc (SEQ ID NO:121)	cctggtgaagtggtggg (SEQ ID NO:122)	D4S2944		
0.1	0	0	7	caaatgcccatcaatcaac (SEQ ID NO:123)	gggtccagtctcatccac (SEQ ID NO:124)	D4S2942		
0.1	0	0	9	ccagatgggttccaaatga (SEQ ID NO:125)	tgtggactgagtagagagtgcc (SEQ ID NO:126)	D4S1602		
0	0	0	5	cccaaaggaatcagatg (SEQ ID NO:127)	gatettgaaatttteccatttt (SEQ ID NO:128)	D4S2984		
3.3	1.1	5.4	7	aggtggccctgagtaggagt (SEQ ID NO:79)	tttgagggaatgatttgggt (SEQ ID NO:80)	D4S403		į.

combined	female	males	allele	forward primer lpl	reverse primer rpl	locus	name	date- start
				agcccaggaggtgaag (SEQ ID NO:129)	gagatttctaggaaacattgag (SEQ ID NO:130)	D4S1564		
				agagtagtttccatctttgtttc (SEQ ID NO:131)	gggcaaggctcatcac (SEQ ID NO:132)	D4S1611		
				acatggagaatcttttagtagca (SEQ ID NO:133)	cttttgagataccctatcagt (SEQ ID NO:134)	D4S1573		
				ggacctccttgttcg (SEQ ID NO:135)	cccttaggttgcttgt (SEQ ID NO:136)	D4S427	Cary	
				TTTAGTTGAATGGCTGAGTGG (SEQ ID NO:137)	TGAGCCAATTCCCCTAATAA (SEQ ID NO:138)	GATA30B11		
				CCACAAAGACAGAATCAATAG (SEQ ID NO:139)	TCTCAACCTCCATAACTGTG (SEQ ID NO:140)	UT7161		
				SEQ ID NO:141)	TCAACACAAAACCAATGTGG (SEQ ID NO:142)	ATA26F08		
				ttacactgaagaatgtgagagcc (SEQ ID NO:143)	ggccttggaactactgatgg (SEQ ID NO:144)	D4S2985		
				ccttgggtcagccacatattc (SEQ ID NO:145)	cactcagaacagaaacttgggt (SEQ ID NO:146)	D4S1615		
				ACTGGTATGTCCTAACCCCC (SEQ ID NO:147)	GATCTGCAGTTGGATTCTGG (SEQ ID NO:148)	ATA26B08		
				GCTGCACCTTAGACTAGAT (SEQ ID NO:149)	TTAGTAGCTTCTCAGCAGC (SEQ ID NO:150)	UT6123		
				(SEQ ID NO:151)	GGCAGCAAACTATGGTATGTAA (SEQ ID NO:152)	UT723		
				AAGTTAATCCATGTGCCGTG (SEQ ID NO:153)	CTTCTTTCTCTTTTTTCCCTG (SEQ ID NO:154)	UT1376		
				ggtgatccacctgcct (SEQ ID NO:155)	aagccactgaccttcact (SEQ ID NO:156)	D4S429		
0	0	0	8	gacagcctattgtagtaacttgtgg (SEQ ID NO:157)	tagtcagggtgctctagggg (SEQ ID NO:158)	D4S3039		

TABLE 3

	4/7/97	6/1/97	sha 3/15/97	n Nov-96	6/1/97				sa Nov-96		sa Nov-96	sa 2/28/97	a 4/7/97	n Nov-96	sa 2/28/97	ized	ra 4/7/97
	Maria	Cary	Hamisha	Sharon	Cary				Melissa		Melissa	Melissa	Ashima	Sharon	Melissa	optimized	Ashima
D4S1575	D4S2959	D4S2423	D4S422	D4S1576	D4S2972	D4S1579	D4S397	UT1264	D4S2939	D4S2965	D4S420	D4S1644	UT2147	D4S1565	GATA135E06	D4S424	D4S2981
acactccagcctgggtgac (SEQ ID NO:160)	tagggtcctccaaagaacaga (SEQ ID NO:162	GTGGCTGGGTAGTATTCATGG (SEQ ID NO:82)	tgaagtaaaatttgggagattgt (SEQ ID NO:84)	acagcataaactaaaatttgggg (SEQ ID NO:164)	titttaatatccaacctcacttgtg (SEQ ID NOT: 166)	ctggagcatccgtgtg (SEQ ID NO: 168)	tgttgcaaactttgctttc (SEQ ID NO: 86)	TGTACCCATTAAGCAGCCTG (SEQ ID NO: 170)	ctcttgaagccctgaagttt (SEQ ID NO: 172)	ggttcttgaccctagctcc (SEQ ID NO: 174)	tttctcagcaacattcctct (SEQ ID NO: 88)	CATCCTTCCTGGTCCCTAGT (SEQ ID NO: 90)	GTAGGGAGGAATAGTTAG (SEQ ID NO: 92)	gccaaggctgatcctc (SEQ ID NO: 94)	GCCAAGAGAGTGAGACTCCA (SEQ ID NO: 176)	tgtgggcaacgtcactc (SEQ ID NO: 96)	gaacagaagtgctggagac
atgggtactttttgaatcacatcc (SEQ ID NO:159)	agettecatggteattagagt (SEQ ID NO:161)	(SEQ ID NO:81)	ggcaagantccgtctcaa (SEQ ID NO:83)	attgmcatatcatcacctgg (SEQ ID NO:163)	agctactcaggnaggctg (SEQ ID NO: 165)	ccccaccttcctgac (SEQ ID NO: 167)	agggaggtcatcagttcatt (SEQ ID NO: 85)	TCGATCTGCAGTTGCCCTA (SEQ ID NO: 169)	tttcccacctggccttat (SEQ ID NO: 171)	tttacagttttcaaaatgggttc (SEQ ID NO: 173)	tretttgattettegggg (SEQ ID NO: 87)	SEQ ID NO: 89)	TAAAACTTCTGAATGAAAAG (SEQ ID NO: 91)	tgcaaactgtcactcaaaag (SEQ ID NO: 93)	GGCCAACAGAGCAGGATC (SEQ ID NO: 175)	gegetettggtatatggtacag (SEQ ID NO: 95)	ggttatttaattttagtaacgcatc
3	7		∞	7	7	6	8		10	9	7			7		8	7
0	0		0	3.3	0	0	0		1	0	1.1			0		2.2	0
0	5.5		.1	7.1	0	0	2.2		0	1.2	1.1			2.2		0	0
0	2.6		0.1	5.2	0	0	1.6		0	9.0	1.1			0.7		1.5	0

4/7/97			6/1/97			6/1/97				:			2/28/97				
Ashima			Cary			Cary				optimized	optimized	optimized	Melissa	į	j P	optimized	
D4S1625	D4S1604	D4S1561	D4S1586	D4S1549	D4S1548	GATA72A08	GATA8A05		D6S1600	D6S344	D6S1713	D621617	D6S1668	D6S1591	D6S1677	D6S1685	
GTCTCTGCATTTGCTGGTTT (SEQ ID NO: 98)	ttgctcacaggattgcttct (SEQ ID NO: 180)	tctaggtgatggtgatgctg (SEQ ID NO: 182)	cccagagtgctgatgtgtg (SEQ ID NO: 184)	tettatgetgeaateactg (SEQ ID NO: 186)	ttacccaactgctacaccat (SEQ ID NO: 188)	TGAGACACAATCTGAGCTATGC (SEQ ID NO. 190)	TTTAACAGACAAATGACAAATCTG		caaagtcccagcaggttc (SEQ ID NO: 16)	ctaatgcatgacaataatttcca (SEQ ID NO: 2)	aggccaagacctctgtgc (SEQ ID NO: 194)	ttaatcaattttctgcaaagataaa (SEQ ID NO: 196)	gggtnccattfattgagatt (SEQ ID NO: 198)	agagcctgtttggtgtcatc (SEQ ID NO: 200)	gaaatcaaaataacacatcctctg (SEQ ID NO: 202)	gccagatttctctgctgtag (SEO ID NO: 204)	
GACTCCAAATCACATGAGCC (SEQ ID NO: 97)	tegtgcccagccaagt (SEQ ID NO: 179)	attitcatgcattcgttagaattit (SEQ ID NO: 181)	gcatgtaccattgccagg (SEQ ID NO: 183)	aaagttccaatctccc (SEQ ID NO: 185)	tgccataaacaaggtgaaac (SEQ ID NO: 187)	TTCAATACTCCTGTATCACAAAG (SEQ ID NO: 189)	TGGTTCTGCTTTTTCTCTCC (SEO ID NO: 191)		agcttgtgcatgtgtgca (SEQ ID NO: 15)	ctccagcctgggtcacta (SEQ ID NO: 1)	aatcactgttacccatagggttatc (SEQ ID NO: 193)	tgcaaaacaggcacacatac (SEQ ID NO: 195)	gtatagccaactgcttccaa (SEQ ID NO: 197)	tgtttcagcagcataggg (SEQ ID NO: 199)	gtttccaagggctggg (SEQ ID NO: 201)	tacactaatggctctctgg (SEQ ID NO: 203)	
	4								∞	6	15	15	6	7	9	8	12
	0								0.1	8.8	0.1	2.2	0.1	0.1	0.1	0.1	1
	0	,							2.5	1.3	0.4	1.8	0.1	0.1	0.1	0.1	4.2
	0								1.4	5	0	2.2	0	0	0	0.1	7.7

				(SEQ ID NO: 205)	(SEQ ID NO: 206)			
0	0.1 0.1	0.1	4	tcaaggctttctgaggc (SEQ ID NO: 207)	agcatggattctgttgtttg (SEQ ID NO: 208)	D6S1598		
0.7	1.1	0.1	7	agccaggcatgctaacat (SEQ ID NO: 209)	ggattacaggcacccagta (SEQ ID NO: 210)	D6S1640	optimized	
1.5	1.1	2.2	8	cettgagcaccttaaatttt (SEQ ID NO:211)	taactgacaaagcagaatagca (SEQ ID NO: 212)	D6S1547	optimized	
0	0.1	0.1	11	ccttaaacaaacaataagaccacc (SEQ ID NO: 213)	cagcctagaaaacagagcca (SEQ ID NO: 214)	D6S1674		

 •																
1F06	F07	B02	902	Н03	E07			80	8(
GATA161F06	GATA21F07	GATA51B02	GATA53C06	GGAA29H03	GGAT12E07	UT1213	UT1585	ATA26B08	ATA26F08	D4S1548	D4S1549	D4S1561	D4S1564	D4S1573	D4S1586	D4S1602
GAATCTCATCTACCCTGTTTGG (SEQ ID NO: 216)	GGTCGAGATCATGACCTCTC (SEQ ID NO: 218)	TCATCTCCCTGTTTGGTAGC (SEQ ID NO: 220)	TGTCTGGAGGCTTTTCAGTC (SEQ ID NO: 222)	GGTTGACTCTTTCCCCAACT (SEO ID NO: 224)	CCTCTTCTCCATGAGGACCT (SEQ ID NO: 226)	TGATTGGCTTTTTTTACTTAC	TTTTGGAGCTGGGGATGTC (SEQ ID NO: 230)	GATCTGCAGTTGGATTCTGG (SEQ ID NO. 148)	TCAACACAAACCAATGTGG (SEQ ID NO. 142)	ttacccaactgctacaccat (SEQ ID NO. 188)	tcttatgctgcaatcactg (SEQ ID NO. 186)	tctaggtgatggtgatgctg (SEQ ID NO. 182)	gagattctaggaaacattgag (SEQ ID NO. 130)	ctiftgagataccctatcagt (SEQ ID NO. 134)	cccagagtgctgatgtgg (SEQ ID NO. 184)	tgtggactgagtagagagtgcc (SEQ ID NO. 126)
GAGGTTGCTTGAAATCCATG (SEQ ID NO: 215)	SEQ ID NO: 217)	CATGGATGCAGAATTCACAG (SEQ ID NO: 219)	GGTTTGCTGGCATCTGTATT (SEQ ID NO: 221)	ACCTGTTGTATGGCAGCAGT (SEQ ID NO: 223)	GTCTGTCCATCCATTCATCC (SEQ ID NO: 225)	ACTTAAATGTCCATCAATAAAT (SEQ ID NO: 227)	TGAACTCCGGCCTGGGTGA (SEQ ID NO: 229)	ACTGGTATGTCCTAACCCCC (SEQ ID NO: 147)	TTTGATTTCCTGCAGTTGGT (SEQ ID NO: 141)	tgccataaacaaggtgaaac (SEQ ID NO: 187)	aaagttccaatctccc (SEQ. ID NO. 185)	attitcatgcattcgttagaatttt (SEQ ID NO. 181)	agcccaggaggtgaag (SEQ ID NO. 129)	acatggagaatcttttagtagca (SEQ ID NO. 133)	gcatgtaccattgccagg (SEQ ID NO. 183)	ccagatgggttccaaatga (SEQ ID NO. 125)
5	0.63	0.77	0.87	8.0	0.75	9	7	0.81	0.87	6	9	7	12	5	7	9
174-190	189-205	148-168	178-210	223-243	177-193	213	213	235-259	222-234	245-271	203-217	294-306	220-242	101-113	103-117	222-233
13	13	13	13	13	13	13	13	4	4	4	4	4	4	4	4	4

D4S1611	D4S1615	D4S2985	D4S422	D4S424	D4S427	D4S249	GATA145E01	GAT30B11	GATA72A08	GATA8A05	UTI508	UT2021	UT6123	UT7161	UT7738	UT7739	UT7953
gggcaaggctcatcac (SEQ ID NO. 132)	cactcagaacagaaacttgggt (SEQ ID NO. 146)	ggccttggaactactgatgg (SEQ ID NO. 144)	tgaagtaaaatttgggagattgt (SEQ ID NO. 84)	tgtgggcancgtcactc (SEQ ID NO. 96)	cccttaggttgcttgt (SEQ ID NO. 136)	aagccactgaccttcact (SEQ ID NO. 156)	TAAGACGGAAACCAAATGGA (SEQ ID NO. 100)	TGAGCCAATTCCCTAATAA (SEQ ID NO. 138)	TGAGACACAATCTGAGCTATGC (SEQ ID NO. 190)	TTTAACAGACAAATGACAAATCTG (SEQ ID NO. 192)	TGCTGCTATATGCTTTGCAG (SEQ ID NO. 232)	GAACCAGCCTCGGATACC (SEQ ID NO. 234)	TTAGTAGCTTCTCAGCAGC (SEQ ID NO. 150)	TCTCAACCTCCATAACTGTG (SEQ ID NO. 140)	GCACAAGAATCAGATAAGGA (SEQ ID NO. 236)	AATCATGTGAACCAGTTTCC (SEQ ID NO. 238)	GGTGCTGGGATTCGGTGCA (SEQ ID NO. 240)
agagtagtttccatctttgttTc (SEQ ID NO. 131)	ccttgggtcagccacatatc (SEQ ID NO. 145)	ttacactgaagaatgtgagagcc (SEQ ID NO. 143)	ggcaagantccgtctcaa (SEQ ID NO. 83)	gegetettggtatatggtacag (SEQ ID NO. 95)	ggacctccttgcttcg (SEQ ID NO. 135)	ggtgatccacctgcct (SEQ ID NO. 155)	CTCAAGAGAAATAGAACCAATAA (SEQ ID NO. 99)	TTTAGTTGAATGGCTGAGTGG (SEQ ID. NO. 137)	TTCAATACTCCTGTATCACAAAG (SEQ ID NO. 189)	TGGTTCTGCTTTTTCTCTCC (SEQ ID NO. 191)	CCTCAGTTTTCTCTCCTGC (SEQ ID NO. 231)	TGGGTGACAGAGCTAGTCC (SEQ. ID NO. 233)	GCTGCACCTTAGACTAGAT (SEQ ID NO. 149)	CCACAAAGACAGAATCAATAG (SEQ ID NO. 139)	TTGCAGTGAGAAGAGATTGT (SEQ ID NO. 235)	ACCCTGTACTTGTCAAGGTT (SEQ ID NO. 237)	TGGTGGGTCTGCGTGTGTG (SEQ ID NO. 239)
5	5	8	8	8	10	8	11	8.0	5	89.0	10	4	2	9	5	9	7
277-285	115-125	248-262	75-97	178-292	142-166	193-207	161-229	289-305	202-218	151	249	338	291	<361	<314	206	290
4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4